

مقاومت آنتی بیوتیکی و فراوانی بتالاکتامازهای وسیع الطیف در سویه‌های سودوموناس آئروژینوزای جدا شده از نمونه های بالینی

به روش فنوتیپی و ژنوتیپی

دکتر عباسعلی ایمانی فولادی¹، زهرا رستمی²، دکتر رضا شاپوری³

¹ استادیار میکروب شناسی پزشکی، مرکز تحقیقات بیولوژی مولکولی، دانشگاه علوم پزشکی بقیه الله (عج)، تهران، ایران

² نویسنده مسئول: کارشناس ارشد میکروب شناسی، گروه میکروبیولوژی، دانشکده علوم پایه، دانشگاه آزاد اسلامی واحد زنجان، زنجان، ایران

Email: faranak_612001@yahoo.com

³ استادیار میکروب شناسی پزشکی، گروه میکروبیولوژی، دانشکده علوم پایه، دانشگاه آزاد اسلامی واحد زنجان، زنجان، ایران

چکیده

زمینه و هدف: جداسازی ژن های SHV و TEM در سودوموناس آئروژینوزاهای مولد ESBL و الگوی مقاومت آنتی بیوتیکی، اطلاعات مفیدی درباره اپیدمیولوژی و فاکتورهای خطر دخیل در این عفونت ها را فراهم می آورد. در این مطالعه مقاومت آنتی بیوتیکی و فراوانی بتالاکتامازهای وسیع الطیف در سودوموناس آئروژینوزای جدا شده از نمونه های بالینی به روش فنوتیپی و ژنوتیپی مورد بررسی قرار گرفت.

روش کار: در مطالعه توصیفی - تحلیلی حاضر 110 سویه ی سودوموناس آئروژینوزا جدا شده از نمونه های مختلف بالینی با استفاده از آزمونهای بیوشیمیایی تعیین هویت شدند. الگوی مقاومت آنتی میکروبی به روش دیسک دیفیوژن (کربی-بائر) تعیین شد. سپس بررسی فنوتیپی ESBL با استفاده از روش دیسک ترکیبی انجام گرفت. در این روش از دیسک های سفوتاکسیم و سفتازیدیم به تنهایی و در ترکیب با کلواندیک اسید استفاده شد. از نظر ژنوتیپی ژن های بتالاکتاماز SHV و TEM در سویه های فوق با روش PCR بررسی گردید.

یافته ها: در این مطالعه به ترتیب بیشترین مقاومت به آنتی بیوتیک های کوتریموکسازول و آموکسی سیلین 96/4% و 92/7% و کمترین مقاومت به آمیکاسین 17/3% نشان داده شد. در بررسی ژنوتیپی با انجام PCR از 16 سویه فنوتیپ مثبت، 37/5% شامل ژن SHV و 12/5% ژن TEM و 12/5% دارای هر دو ژن SHV و TEM بودند.

نتیجه گیری: نتایج نشان می دهد که اغلب نمونه ها مقاوم به دارو هستند و در میان سویه های تولید کننده ESBL فراوانی ژن های SHV بیشتر از TEM یافت شد. سویه های دارای ژن SHV مقاوم به سفتازیدیم (37/5%) و سویه های دارای ژن TEM مقاوم به سفتازیدیم (12/5%) بوده است و نتایج بیانگر این است که ژن های SHV و TEM در ایجاد مقاومت نسبت به سفتازیدیم در مقایسه با ایجاد مقاومت به سفوتاکسیم نقش بیشتری دارند.

کلمات کلیدی: سودوموناس آئروژینوزا؛ مقاومت آنتی بیوتیکی؛ بتالاکتامازهای وسیع الطیف؛ SHV؛ TEM

دریافت: 89/6/11 پذیرش: 89/9/27

مقدمه

می شود. مقاومت ذاتی به مواد ضد میکروبی در این باکتری سبب وخیم تر شدن وضعیت درمان عفونت های آن می گردد. نوعی از مقاومت به واسطه تولید آنزیم هایی به نام بتالاکتامازها صورت

سودوموناس آئروژینوزا باکتری بیماریزا فرصت طلب است که عاملی عمده در بروز مرگ و میر در بیماران با ضعف سیستم ایمنی محسوب

آنزیم TEM مورد شناسایی قرار گرفته‌اند و شیوع آنها در نواحی مختلف دنیا بصورت متفاوت گزارش شده است. بتالاکتاماز TEM-1، اولین بتالاکتامازی بود که به وسیله پلاسمید در انتروباکتریاسه‌ها کد شد و سایر باکتری‌ها از جمله سودوموناس آئروژینوزا نیز قادر به تولید آن می‌باشند [9-11].

این ارگانسیم به علت افزایش مقاومت آنتی بیوتیکی خصوصاً به صورت چند دارویی مشکلات بسیاری را برای درمان عفونت‌های ناشی از آنها ایجاد کرده است. بررسی‌ها نشان می‌دهد که بین مقاومت سودوموناس آئروژینوزا به آنتی بیوتیک‌ها و مصرف آنتی بیوتیک‌ها رابطه وجود دارد [۱۲، ۱۳]. ژن‌های ESBLs با ایجاد مقاومت‌های چند گانه به دیگر آنتی-بیوتیک‌ها ارتباط دارند، به طوری که بروز و انتشار ژن‌های مختلف ESBLs به علت افزایش مقاومت آنتی بیوتیکی، خصوصاً به صورت چند دارویی، مشکلات بسیاری را برای درمان عفونت‌های ناشی از آنها ایجاد کرده است [12]. در هر حال علیرغم هزینه‌های بالای روش‌های ژنوتیپی در مقایسه با روش‌های فنوتیپی تشخیص مقاومت، گسترش روش‌های مولکولی منجر به درمان سریع و مؤثر آنان و جلوگیری از گسترش ایزوله‌های مقاوم باکتری‌ها می‌گردد. مطالعه حاضر برای تعیین مقاومت آنتی‌بیوتیکی و فراوانی بتالاکتامازهای وسیع‌الطیف در سودوموناس آئروژینوزای جدا شده از نمونه‌های بالینی به روش فنوتیپی و ژنوتیپی انجام گرفت.

روش کار

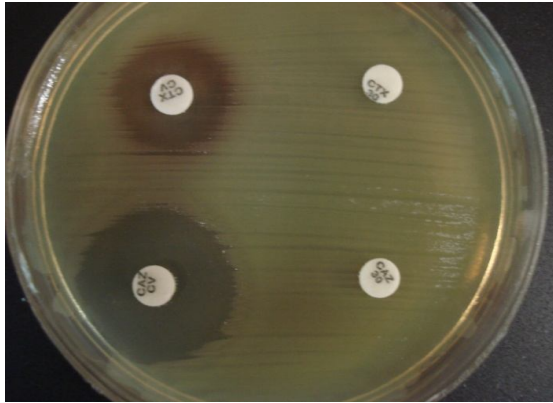
ایزوله‌های باکتری

این مطالعه از نوع تحلیلی-توصیفی است. در طی یک سال تعداد 1500 نمونه کلینیکی مختلف از جمله زخم، ادرار، خون، بافت، خلط، گوش، مدفوع و سایر موارد (تراشه، استخوان، پلور، چست تیوپ) از بخش‌های مختلف مراکز آموزشی درمانی تهران جمع‌آوری

می‌گیرد، که عامل مقاومت در برابر بتالاکتام‌ها است [1]. بتالاکتام‌ها داروهای مناسبی جهت درمان سودوموناس آئروژینوزاها بودند اما بعد از مدتی برخی از باکتری‌ها با تولید بتالاکتاماز به این آنتی‌بیوتیک‌ها مقاومت نشان دادند. این آنزیم‌ها بر اساس عملکردشان به 4 کلاس 1، 2، 3 و 4 تقسیم می‌شوند که کلاس 2 به 8 زیر گروه 2a، 2b، 2be، 2br، 2c، 2d، 2e، 2f طبقه بندی می‌شوند. این آنزیم‌ها بر اساس ساختمان مولکولی در 4 گروه A، B، C، D قرار گرفتند، کلاسها A، C و D به وسیله مکانیسم سرین عمل می‌کنند در صورتی که کلاس B برای فعالیت خود نیازمند عنصر روی است. امروزه 5 نوع ESBL از کلاس A (SHV، TEM، VEB، PER و GES/IBC) و کلاس D (OXA) در سودوموناس آئروژینوزا جداسازی شده است [2]. بتالاکتامازهای طیف گسترده گروهی از آنزیم‌های ناشی از پلاسمید هستند که قادر به تخریب سفالوسپورین‌های با طیف اثر وسیع مانند سفوناکسیم، سفتریاکسون و سفنازیدیم هستند [۳، ۴] و عمدتاً توسط مهارکننده‌های بتالاکتاماز از جمله کلوالانیک اسید، سولباکتام و تازوباکتام مهار می‌شوند. ESBLها از بتالاکتامازهای کلاس A گروه 2be هستند. بیشتر این آنزیم‌ها مشتقات بتالاکتامازهای TEM و SHV با یک یا چند تغییر در اسیدهای آمینه آنها می‌باشند [۵، ۶].

آنزیم SHV در نمونه‌های بالینی با فراوانی زیاد نسبت به انواع دیگر از ESBLها یافت می‌شوند. با جایگزینی اسیدهای آمینه در جایگاه فعال این آنزیم انواع مختلفی از بتالاکتاماز SHV به وجود آمده به طوری که تاکنون بیش از 50 نوع از آنزیم SHV در جهان یافت شده است. بتالاکتامازهای مشتق از SHV در انتروباکتریاسه‌ها و شیوع آن در سودوموناس آئروژینوزا و آسینتوباکتر گزارش شده است [۷، ۸]. با جایگزینی اسیدهای آمینه در جایگاه فعال آنزیم بتالاکتاماز TEM-1 انواع مختلفی از بتالاکتاماز TEM به وجود آمده به طوری که تاکنون بیش از 100 نوع

آنتی‌بیوتیک با کلوانلیک اسید 5 میلی‌متر بیشتر از قطر هاله عدم رشد در کنار دیسک مربوطه به تنهایی باشد مولد بتالاتاماز طیف وسیع در نظر گرفته می‌شود [15].



شکل 1. روش دیسک ترکیبی دیسک های سفنازیدیم و سفوتاکسیم (30 میکروگرمی) به همراه سفنازیدیم/کلوانلیک اسید، سفوتاکسیم/کلوانلیک اسید (10/30 میکروگرمی) روی محیط مولر هینتون آگار در فاصله 2 cm برای شناسایی ESBLs در سودوموناس آئروژینوزا، مورد استفاده قرار گرفت.

استخراج DNA و روش ژنوتیپی تعیین ESBL

به منظور استخراج DNA ژنومیک جهت انجام PCR از روش ساده جوشاندن طبق دستور العمل زیر استفاده شد: [16] ابتدا حدود یک لوپ از کلنی‌های خالص سودوموناس آئروژینوزا در 5 میلی لیتر محیط کشت LB³ مایع (شرکت Merck آلمان) تلقیح و در انکوباتور شیکردار در دمای 37 درجه سانتی‌گراد نگهداری گردید. سپس 1/5 میلی لیتر از محیط کشت حاوی باکتری‌های رشد یافته در میکروتیوپ استریل ریخته و در $7400 \times g$ به مدت 8 دقیقه سانتریفوژ شد. مایع رویی کاملاً تخلیه و با بافر TE استریل (2 بار و هر بار $200 \mu L$) شست شو داده و در $4800 \times g$ به مدت 6 دقیقه سانتریفوژ شد. آنگاه $200 \mu L$ آب مقطر دیونیزه به همراه $10 \mu L$ پروتئیناز K به رسوب اضافه شد و محلول حاصل به مدت 30 دقیقه در فور $60^\circ C$ قرار گرفت و در حرارت ملایم به مدت 30 دقیقه جوشانده شد. سپس

شدند، که از بین آنها 110 ایزوله باکتری سودوموناس آئروژینوزا بود که بر اساس آزمونهای بیوشیمیایی مختلف از جمله اکسیداز، تولید پیگمان، تخمیر TSI، تست OF هوازی مثبت و بی‌هوازی منفی مورد شناسایی قرار گرفتند. سویه‌ها در محیط نوترینت برات در دمای $-70^\circ C$ حاوی 20% گلیسرول ذخیره گردید.

تعیین مقاومت آنتی میکروبی

این تست به روش دیسک دیفیوژن (کربی-بائر) بر اساس استانداردهای CLSI¹ انجام شده ابتدا پس از تهیه محیط مولر هینتون آگار (شرکت Merck آلمان) سوسپانسیون میکروبی استاندارد با غلظت نیم مک فارلند تهیه شد. پس از پخش کردن کامل سوسپانسیون میکروبی بر روی محیط مزبور دیسک های آنتی بیوتیکی (شرکت Mast انگلستان) مورد استفاده شامل: سفنازیدیم ($30 \mu g$)، کوتریموکسازول ($30 \mu g$)، سفوتاکسیم ($30 \mu g$)، سفتریاکسون ($30 \mu g$)، نورفلوکساسین ($10 \mu g$)، تتراسایکلین ($30 \mu g$)، سپیروفلوکساسین ($5 \mu g$)، جنتامیسین ($10 \mu g$)، آمیکاسین ($30 \mu g$)، آموکسی سیلین ($10 \mu g$)، سفالکسین ($30 \mu g$). به فاصله حداقل 2 سانتی متر از یکدیگر قرار داده شده پس از 24 ساعت انکوباسیون در دمای $35^\circ C$ قطر هاله عدم رشد اطراف هر دیسک اندازه گیری و نتایج آن ثبت شد. از سویه سودوموناس آئروژینوزای ATCC 27853 جهت کنترل مثبت استفاده گردید [14].

تأیید فنوتیپی ESBL با روش دیسک ترکیبی²

در روش دیسک ترکیبی از دیسک‌های 30 میکروگرمی سفنازیدیم و سفوتاکسیم در مجاورت دیسک 10 میکروگرمی کلوانلیک اسید (شرکت Mast انگلستان) در محیط مولر هینتون آگار (شرکت Merck آلمان) استفاده شد. در صورتی که قطر هاله عدم رشد در کنار دیسک‌های شامل ترکیب

¹ Clinical and Laboratory Standard Institute

² Combination disk

³ Luria Bertini

ژن SHV و نمونه های زخم، ادرار، خون، گوش و مدفوع دارای درصد برابر از ژن های TEM یافت شد. در مقایسه بین نمونه های بالینی و ژن SHV از آزمون فیشر با $p \leq 0/05$ و ژن TEM نیز از آزمون فیشر با $p \leq 0/05$ استفاده شده که مقایسه بین نمونه های بالینی و ژن SHV معنی دار ولی در مقایسه نمونه های بالینی و TEM رابطه معنی داری مشاهده نشد. در بررسی الگوی مقاومت آنتی بیوتیکی 110 سویه سودوموناس آئروژینوزا بیشترین مقاومت مربوط به سولفومتوکسازول 96/4% و آموکسیسیلین 92/7% و کمترین مقاومت مربوط به آمیکاسین 17/3% یافت شد و سایر آنتی بیوتیک ها به ترتیب شامل: سفالکسین 90/9%، تتراسایکلین 86/4%، سفتریاکسون 66/4%، سفوتاکسیم 43/6%، جنتامیسین 25/5%، سیپروفلوکساسین 20/9%، سفتازیدیم 20/9%، نورفلوکساسین 19/1% بودند. در بررسی فنوتیپی به روش دیسک ترکیبی 13 ایزوله (11/8%) واجد فنوتیپ سفتازیدیم و 10 ایزوله فنوتیپ سفوتاکسیم (9/1%) و در 7 ایزوله (6/4%) هر دو

مجدداً در دور $g \times 4800$ به مدت 6 دقیقه سانتریفوژ شد و محلول رویی که حاوی ژنوم باکتری است با سمپلر به میکروتیوپ استریل جدید انتقال داده شد و در دمای 20°C - ذخیره گردید. به منظور بررسی کمی DNA استخراج شده از الکتروفورز روی ژل آگاروز 1% استفاده شد. جداسازی ژن های SHV و TEM با استفاده از جفت پرایمرها (شرکت سیناژن) و دماهای ذکر شده در جدول 1 انجام گردید [2]. با 2/5 میکرولیتر بافر PCR، 1 میکرولیتر MgCl_2 (2/5mM)، 1 میکرولیتر از هر پرایمر (10pmol)، 1 میکرولیتر dNTPs (2/5mM)، 0/5 میکرولیتر آنزیم Taq پلیمرز (5U)، Master mix با حجم نهایی 25 μL تهیه شد. سپس 2 میکرولیتر DNA اضافه گردید. از کلبسیلا پنومونیه 7881 (انستیتو پاستور ایران) به عنوان سوش کنترل مثبت استفاده گردید. سپس نمونه ها در کنار مارکر 100 bp بر روی ژل 1/5% آگاروز الکتروفورز شده و رنگ آمیزی ژل با استفاده از اتیدیوم بروماید مشاهده شد (جدول 1).

جدول 1. توالی های پرایمر و دماهای مورد استفاده در آزمون PCR ژن های SHV و TEM

ژن	سیکل	PCR			توالی پرایمر 3' → 5'	پرایمر
		طویل شدن	اتصال	واسرشت شدن		
blaSHV 231bp	35	94	68	94	AAGATCCACTATCGCCAGCAG	SHV-A
		1 دقیقه	1 دقیقه	1 دقیقه	ATTCAGTTCCGTTTCCCAGCGG	SHV-B
blaTEM 861bp	35	72	50	72	GAGTATTCAACATTTCCGTGTC	TEM-A
		1 دقیقه	1 دقیقه	1 دقیقه	TAATCAGTGAGGCACCTATCTC	TEM-B

فنوتیپ یافت شد. در بررسی ژنوتیپی با انجام آزمون PCR از 16 سویه فنوتیپ مثبت، (37/5%) شامل ژن SHV و (12/5%) ژن TEM و (12/5%) هر دو ژن را دارا بودند (شکل های 1 و 2). در مقایسه ی فنوتیپ (دیسک های ترکیبی سفوتاکسیم و سفتازیدیم همزمان با هم) و ژن های SHV و TEM به تنهایی، ایزوله های که از نظر آزمایش فنوتیپی مثبت نشان داده شد، از نظر ژنوتیپی درصد فراوانی ژن های SHV و TEM به میزان 9/1% و 20%

آنالیز آماری

نتایج به دست آمده با استفاده از نرم افزار SPSS نسخه 17 تجزیه و تحلیل شد و از دو آزمون کای اسکوئر و فیشر استفاده شد. مقدار آماری آزمون ($p < 0/05$) در نظر گرفته شد.

یافته ها

از میان سویه های جدا شده بیشترین مربوط به زخم بودند. در نمونه های ادرار و زخم بیشترین درصد

مقاومت به این آنتی‌بیوتیک‌ها به ترتیب 20/6%، 59/8%، 57/7%، 21/6% بود که کاهش مقاومت را نسبت به این تحقیق مشخص نمود [15]. همچنین در بررسی‌های انجام شده توسط مهاجری در سال 81 در کرمانشاه درصد مقاومت به این آنتی‌بیوتیک‌ها به ترتیب 50%، 38%، 52%، 38% بوده که میزان مقاومت در مطالعه ما نسبت به سال 81 کاهش نشان داد [18]. که این امر را می‌توان احتمالاً حاصل کنترل مصرف آنتی‌بیوتیک‌ها و رعایت موارد بهداشتی توسط پرسنل دانست. در مطالعات انجام گرفته در کشورهای مختلف به میزان مقاومت به سفنازیدیم 9%، 15% و 35% [19-23]. به سیپروفلوکساسین 9%، 23% و 91/7% [۲۴،۱۹]. به جنتامیسین 50%، 31% و 96/6% [۲۳،۲۲،۱۸،۱۷]. به آمیکاسین 9%، 9% و 25% [۲۵،۲۳،۲۱،۲۰،۱۹] بوده که در مقایسه با این مطالعه درصد مقاومت در برخی مطالعات پایین‌تر می‌باشد. می‌توان گفت که میزان مقاومت به آنتی‌بیوتیک‌ها در کشورهای توسعه یافته نسبت به کشورهای در حال توسعه و کشورهای جهان سوم پایین‌تر است. در همین رابطه می‌توان به اجتناب از تجویز بی‌مورد آنتی‌بیوتیک‌ها، تجویز کوتاه مدت آنتی‌بیوتیک‌های وریدی برای پیشگیری از عفونت در بیماران پرخطر و نیز استفادهٔ محافظه‌کارانه از وسایل و تجهیزات پزشکی اشاره کرد.

نتایج حاصل از تست فنوتیپی در این مطالعه از مجموع 110 ایزوله سودوموناس آئروژینوزا اخذ شده، شیوع سویه‌های مولد بتالاکتاماز وسیع‌الطیف در 16 ایزوله مثبت بوده اما در بررسی انجام شده توسط آی‌بینو و همکارانش، 9 ایزوله مثبت یافت شد [15]. در مطالعه‌ای که در سال‌های اخیر در ایران بر روی سودوموناس آئروژینوزاهای مولد بتالاکتاماز وسیع‌الطیف انجام شده نتایج به شرح زیر می‌باشد: در سال 2008 شکیبایی و همکاران [26]. از 120 نمونه سودوموناس آئروژینوزا 41 مورد (34%) و میرصالحیان [27]. نیز 40 سویه (40%) را مولد

ESBL مثبت و شاهچراغی و همکاران در سال 2009 از 600 ایزوله سودوموناس آئروژینوزا 234 سویه (39%) را مولد بتالاکتاماز وسیع‌الطیف گزارش کردند [28]. این نتایج نسبت به مطالعه حاضر از فراوانی بیشتری برخوردار هستند این آمار بالا به نظر می‌رسد به دلیل ظهور باکتری‌های مقاوم غالب و مولد ESBL و الگوی درمانی وابسته به سفالوسپورین‌های وسیع‌الطیف در مواجهه با بیماری‌ها منجر به افزایش باکتری‌های مولد بتالاکتامازهای وسیع‌الطیف گردیده است. تشخیص فنوتیپی بتالاکتامازهای وسیع‌الطیف در سودوموناس آئروژینوزا به دلایل مختلف از جمله وجود AmpC کروموزومی و مقاومت نسبت به کلولانات و مکانیزم‌های دیگر مقاومت مثل نفوذپذیری کم غشا و وجود پمپ‌های تراوشی¹ باعث ایجاد نتایج کاذب می‌گردد، لذا انجام روش‌های مولکولی از قبیل PCR به دلیل حضور سایر ژن‌های بتالاکتامازی ضروری به نظر می‌رسد. مطالعه بر روی سایر باکتری‌ها از جمله اشریشیاکلی توسط متر² و همکارانش در لبنان، ژن SHV 21%، ژن TEM 61% در انتروباکتریاسه‌ها توسط تاشی³ و باهاره⁴، 74/3% ژن SHV و 52/7% ژن TEM و سایر گونه‌های کلبسیلا در سال 2008 توسط جین⁵ و مونال⁶ در هند 20/3% دارای ژن SHV و 48/4% دارای ژن TEM بودند [۲۹،۳۰،۳۱] که در مقایسه با مطالعه حاضر که بر روی باکتری سودوموناس آئروژینوزا است، درصد ژن SHV در انتروباکتریاسه افزایش و در اشریشیاکلی و کلبسیلا کاهش را نشان داد ولی ژن TEM در این باکتری‌ها نسبت به سودوموناس آئروژینوزا افزایش را نشان داد. در این مطالعه از بین سویه‌های فنوتیپ مثبت 12/5% دارای

¹ Efflux Pumps

² Matar

³ Tashi

⁴ Bahar

⁵ Jain

⁶ Monal

گزارش شد که بالا بودن ژن SHV را نسبت به ژن TEM نشان داد.

پیشنهادات

با توجه به فراوانی باسیل‌های گرم منفی مولد بتالاکتامازهای وسیع الطیف و مقاومت بالای آنها در برابر اکثر داروهای طیف وسیع، به نظر می‌رسد که شناسایی سویه‌های مولد ESBL بایستی در برنامه روزانه آزمایشگاه‌های میکروب شناسی در مورد باسیل‌های گرم منفی از جمله اشریشیاکلی، کلبسیلا پنومونیه و سودوموناس آئروژینوزا گنجانده شوند. با تشکیل کمیته‌های تجویز آنتی‌بیوتیک در بیمارستان‌ها، با جدیت بر مصرف آنتی‌بیوتیک‌های طیف وسیع در بیمارستان‌ها نظارت شود.

هر دو ژن SHV و TEM و 62/5% فاقد هر دو ژن بودند. سویه‌هایی که شامل ژن SHV و TEM مقاوم به سفوتاکسیم هستند به ترتیب 25% و 6/25% و سویه‌های دارای ژن SHV و TEM مقاوم به سفنازیدیم 37/5% و 12/5% یافت شد که مشخص کرد ژن‌های SHV و TEM مقاوم به سفنازیدیم بیشتر از ژن‌های مقاوم به سفوتاکسیم است.

نتیجه گیری

امروزه مساله مقاومت به داروهای بتالاکتام و مقاومت به سفالوسپورین‌های وسیع الطیف یک معضل جدی رو به پیشرفت است که به زودی جهت جایگزینی آن‌ها، به آنتی بیوتیک‌های جدید نیاز خواهیم داشت. در مطالعه حاضر بروز ژن‌های SHV و TEM در سویه‌های سودوموناس آئروژینوزا

References

- 1- Montie TC, Drake D, Sellin H, Slater O, Edmonds S. Motility, virulence and protection with flagella vaccine against *Pseudomonas aeruginosa* infection. *Antibiot Chemother.* 1987; 39, 233-48.
- 2- Weldhagen GF, Poirel L, Nordmann P. *Ambler* class A extended-spectrum beta-lactamases in *Pseudomonas aeruginosa*: novel developments and clinical impact. *Antimicrob Agents Chemother.* 2003 Aug; 47(8): 2385-92.
- 3- Knothe H, Shah P, Kremery V. Transferable resistance to cefotaxime, cefoxitin, cefamandole and cefuroxime in clinical isolates of *Klebsiella pneumoniae* and *Serratia marcescens*. *Infection.* 1983 Nov-Dec; 11(6): 315-7.
- 4- Jacoby GA, Medeiros AA. More extended spectrum β -lactamases. *Antimicrob Agents Chemother.* 1991 Sep; 35(9): 1697-1704.
- 5- Howard C, Daal A, Kelly G, Schooneveldt J, Nimmo G, Giffard PM. Identification and minisequencing-based discrimination of SHV β -Lactamases in nosocomial infection associated *Klebsiella pneumoniae* in Brisbane, Australia. *Antimicrob Agents and Chemother.* 2002 Mar; 46(3): 659-664.
- 6- Bradford, PA. Extended-spectrum beta-lactamases in the 21st century: characterization, epidemiology, and detection of this important resistance threat. *Clin Microbiol Rev.* 2001 Oct; 14(4): 933-51.
- 7- Prinarakis EE, Miriagou V, Tzelepi E, Gazouli M, Tzouvelekis LS. Emergence of an inhibitor-resistant β -lactamases (SHV-10) derived from an SHV-5 variant. *Antimicrob Agents Chemother.* 1997 Apr; 41(4): 838-840.
- 8- El Harrif-Heraud Z, Arpin C, Benliman S, Quentin C. Molecular epidemiology of nosocomial outbreak due to SHV-4 producing strain of *Citrobacter diversus*. *J Clin Microbiol.* 1997 Oct; 35 (10): 2561-2567.
- 9- Burn-Buisson C, Legrand P, Philippon A, Montravers F, Asquer M, Duval J. Transferable enzymatic resistance to third generation cephalosporins during nosocomial outbreak of multiresistant *Klebsiella pneumoniae*. *Lancet.* 1987; 11:302-306.

- 10- Poiri L, Mammeri H, Nordmann P. TEM-121, a novel complex mutant of TEM-type beta-lactamases from *Enterobacter aerogenes*. *Antimicrob Agents Chemother*. 2004 Dec; 48 (12): 4528-4531.
- 11- Nordmann P, Guibert M. Extended spectrum β -lactamases in *Pseudomonas aeruginosa*. *J Antimicrob Chemother*. 1998 Aug; 42(2):128-131.
- 12- Douglas MW, Mulholland K, Denyer V, Gottlieb T. Multi-drug resistant *Pseudomonas aeruginosa* outbreak in a burns unit-an infection control study. *Burns*. 2001 Mar; 27(2): 131-5.
- 13- Kang CI, Kim SH, Park WB, Lee KD, Kim HB, Kim EC and et al. Risk factors for antimicrobial resistance and influence of resistance on mortality in patients with bloodstream infection caused by *Pseudomonas aeruginosa*. *Microb Drug Res*. 2005 Spring; 11(1): 68-74.
- 14- Clinical and Laboratory Standards Institute. Performance standards for Antimicrobial susceptibility Testing: Document M10-S15. CLSI, Wayne, PA, USA, 2005.
- 15- Aibinu I, Nwanneka T, Odugbemi T. Occurrence of ESBL and MBL in clinical isolates of *Pseudomonas aeruginosa* From Lagos, Nigeria. *Journal of American Science*. 2007; 3(4):81-85.
- 16- Frederick M. Ausubel, Roger B, Robert E. Kingston, David D. Moore JG, et al. Current protocols in molecular biology. Wiley, John & Sons, USA. 2003; p: 218-26.
- 17- Shahcheraghi F, Nikbin V, Shoraj F. Molecular characterization of extended spectrum beta-lactamases from clinical specimen isolated at two hospitals of Tehran. *Iranian Journal of Microbiology*. 2008; 4: 21-27. (Fulltext in Persian)
- 18- Mohajeri P. Determination susceptibility and antibiotic resistance from clinical different specimen at Kermanshah therapeutic. *Kermanshah University Medical Journal*. 2003; 4: 11-20. (Fulltext in Persian)
- 19- Shavar RM, Macleod DL, Garber RL, Burns JL. Activities of Tobramycin and six other antibiotics against *Pseudomonas aeruginosa* isolated from patients with cystic fibrosis. *Antimicrobial Agent and Chemother*. 1999 Dec; 43(12): 2877-80.
- 20- Karakoc B, Gereceker AA. In vitro activities of various antibiotics alone and in combination with amikacin against *Pseudomonas aeruginosa*. *J Antimicrob Chemother*. 1995 Oct; 36(4): 707-11.
- 21- Kato K, Iwai S, Kumasaka K, Horikoshi A. Survey of antibiotic resistance in *Pseudomonas aeruginosa* by the Tokyo johoku association of *Pseudomonas* studies. *J Infect Chemother*. 2001 Dec; 7(4): 258-262.
- 22- Rastegar LA, Bahrami HH, Alaghebandan R. *Pseudomonas* infections in Tohid Burn Center, Iran. *Burns*. 1998 Nov; 24(7): 637-41.
- 23- Niitsuma K, Saitoh M, Kojimabara M, Kashiwabara N. Antimicrobial susceptibility of *Pseudomonas aeruginosa* isolated in Fukushima pre fecture. *Jpn J Antibiot*. 2001 Feb; 54(2): 79-87.
- 24- Bouza E, Garcia-Garrote F, Cercendo E, Marin M, *Pseudomonas aeruginosa*: survey resistance in 136 hospital in Spain. *Antimicrob Agents Chemother*. 1999 Apr; 43(4): 981-2.
- 25- Cavallo JD, Fabre R, Leblan C, Nicolas-Chanonine MH. Antibiotic susceptibility and mechanisms of betalactam resistance in 1310 strains of *Pseudomonas aeruginosa*. *J Antimicrob Chemother*. 2000 Jul; 46(1): 133-136.
- 26- Shakibaie M, Shahcheraghi F, Hashemi A, Saeed Adeli N. Detection of TEM, SHV and PER Type extended-spectrum β -lactamas gene among clinical strains of *Pseudomonas aeruginosa* isolated from Burnt Patients at Shafa-Haspita, Kerman, Iran. *Iranian Journal of Basic Medical Sciences*. 2008 Summer; 11(2): 104-11. (Fulltext in Persian)
- 27- Mirsalehian A, Feisabadi M, Akbari Nakhjavani F, Jabal ameli F, Goli H. Prevalence of extended spectrum beta lactamases among strains of *Pseudomonas aeruginosa* isolated from burn patients. *Tehran University Medical Journal*. 2008; 66: 333-337. (Fulltext in Persian)

-
- 28- Shahcheraghi F, Nasiri S, Noveiri H. The survey of genes encoding beta-lactamases, in *Escherichia coli* resistant to beta-lactam antibiotics. IJBMS. 2009 Winter; 13(1): 230-237. (Fulltext in Persian)
- 29- Matar GM, Al Khodor S, El-Zaatari M, Uwaydah M. Prevalence of the genes encoding extended-spectrum beta-lactamases, in *Escherichia coli* resistant to beta-lactam and non-beta-lactam antibiotics. Ann Trop Med Parasitol. 2005 Jul; 99(4): 413-7.
- 30- Tashi H, Bahar IH. Molecular characterization of TEM and SHV-derived extended spectrum beta-lactamases in hospital based Enterobacteriaceae in Turkey. Jpn J Infect Dis. 2005 Jun; 58(3): 162-167.
- 31- Jain A, Monal R. TEM & SHV genes in extended spectrum β -lactamase producing *Klebsiella* species & their antimicrobial resistance pattern. Indian J Med Res. 2008 Dec; 128(6): 759- 764.

Antimicrobial resistance and ESBL prevalence in *Pseudomonas aeruginosa* strains isolated from clinical specimen by phenotypic and genotypic methods

Imani Foolad AA¹, Ph.D; Rostami Z², MSc; Shapouri R³, Ph.D

1- Assistant Prof. of Medical Microbiology, Molecular Biology Research Center, Baqiyatallah University of Medical Sciences, Tehran, Iran. Email: imanifouladi.a@gmail.com

2- MSc in Microbiology, Dept. of Microbiology, Faculty of Basic Sciences, Zanjan Islamic of Azad University, Zanjan, Iran. E-mail: faranak_612001@yahoo.com

3- Assistant Prof. of Medical Microbiology, Dept. of Microbiology, Faculty of Basic Sciences, Zanjan Islamic of Azad University, Zanjan, Iran

ABSTRACT

Background and Objectives: Detection of TEM and SHV genes in ESBL producing *Pseudomonas aeruginosa* and their antimicrobial resistance pattern can provide useful information about the epidemiology and risk factors of associated infections. In this study we determined the antimicrobial susceptibility pattern and prevalence of ESBLs in clinical isolates of *Pseudomonas aeruginosa* by phenotypic and genotypic methods.

Methods: In this analytic-descriptive study, 110 *Pseudomonas aeruginosa* strains isolated from different clinical specimens were used. The pattern of antimicrobial resistance was determined by disk diffusion (Kirby-buer) method. The ESBL production was determined by combination disk method using disks containing ceftazidim and cefotaxim alone and in combination with Clavulanic acid. SHV and TEM types of ESBL producing genes was detected by PCR.

Results: In this study Co-trimoxazole and Amoxicilin with 96.4% and 92.7% and Amikacin with 17.3% showed the highest and lowest resistance against isolates respectively. According to PCR results 37.5% and 12.5% of isolate were carried SHV and TEM genes respectively and 12.5% of isolate were carried both the SHV and TEM genes.

Conclusion: According to the results most of the isolates are drug resistant and among the ESBL producing strains the frequency of SHV type is higher than TEM. The isolate ceftazidim resistance was contains SHV (37.5%) and TEM gene (12.5%), that showed SHV and TEM genes play more important role in create of ceftazidim resistance than cefotaxim resistance.

Key words: *Pseudomonas aeruginosa*; Antibiotic resistance; ESBL; SHV; TEM