

**بررسی اثرات بالینی ژنهای babA و cagA هلیکوباکتر پیلوری**پریچهرملکی^۱، دکتر سعید لطیفی نوید^۲

parichehrmaleki@gmail.com

چکیده

در سال ۱۹۹۴ هلیکوباکتر پیلوری به عنوان کارسینوژن کلاس I شناسایی شد و حالا به عنوان متداولترین عامل سرطان های مرتبط با عفونت در نژادهای مختلف است. یکی از ویژگیهای قابل توجه ان توانایی بالایش برای حضور دهها سال در محیط معده به دلیل ناتوانی میزبان برای حذف عفونت است. این ارگانیسم یک اثر در مراحل اولیه کارسینوژنزیسی معده دارد. نسبتهای پایین الودگی (۰.۸۹٪) در کشورهای توسعه یافته و نسبتهای بالای (۵۲٪) و (۹۸٪) در کشورهای در حال توسعه یک ارتباط قوی بین شیوع الودگی و وضعیت اقتصادی و اجتماعی جمعیت نشان میدهد. کسب الودگی در اوایل کودکی اتفاق می افتد که با شرایط بهداشت زندگی ارتباط دارد. بالاترین نسبت عفونت هلیکوباکترپیلوری در ایران (۰.۸۹٪) در اردبیل گزارش شده است. جاییکه بیش از ۹۰٪ افراد بالای ۴۰ سال التهاب مزمن معدههای وابسته به هلیکوباکترپیلوری دارند و سرطان معده ۳۱٪ همه بدخیمیها را تشکیل میدهد. چسبیدن هلیکوباکترپیلوری به سطح اپیتلیال معده فاکتور تهاجمی مهمی میباشد که یکی از ژنهای دخیل در این امر babA میباشد که کلونیزاسیون هلیکوباکترپیلوری در سطح اپیتلیال معده و تحویل فاکتورهای سمی همانند vacA و cagA به داخل سلولهای میزبان را تسهیل میکند. پروتئین BabA2 یک پروتئین 78Kd است که انتی ژن Leb را در سطح اپیتلیالی معده شناسایی کرده و به ان متصل میشود. BabA2 با بیماریهای زخم دوازدهه و سرطان معده وابسته است و زمانیکه در ارتباط با cagA و ال vacAs1 یافت شده اند خطرات بالینی شدیدتری نشان داده اند. مفید بودن بیان babA2 در پیشگویی پیامدهای بالینی وابسته به منشا جغرافیایی سویه های هلیکوباکترپیلوری است. CagA یک پروتئین غالب ایمنی است. ژن cagA یک ساختار موزاییکی دارد و شامل یکسری بخشهای محافظت شده و یکسری یخشهای متغیر است. این پروتئین در دو مسیر وابسته و مستقل از فسفریلاسیون موتیف انتهایی کربوکسیلیش با تغییر بیان یکسری از ژنها اثر کارسینوژنی دارد. اگر مکانیسمهای کارسینوژنی معده ای مربوط به هلیکوباکترپیلوری شناخته شود میتواند باعث پیشرفت استراتژیهای موثر برای پیشگیری و درمان سرطان معده شود.

کلید واژه ها: هلیکوباکترپیلوری، babA، cagA، سرطان

۱- کارشناسی ارشد دیست سلولی و مولکولی

۲- استادیار ژنتیک

